

Traceurs

- Vers une gestion modulaire
- Possibilité à terme d'avoir simultanément traceurs d'LMDZ, INCA, REPROBUS, etc.
⇒ Nouveau traceur.def

Refonte de traceur.def

- Actuellement, en standard :
 - 4
 - 14 14 H20v
 - 10 10 H20l
 - 10 10 H20i
 - 00 00 Aga
- nb_traceurs
 - sch.adv.h sch.adv.v nom_tr [père]
 - sch.adv.h sch.adv.v nom_tr [père]
 - ...
- Pour les isotopes :
 - 10
 - 14 14 H20v air
 - 10 10 H20l air
 - 10 10 RN air
 - 10 10 PB air
 - 10 10 H20v_018 H20v
 - 10 10 H20v_HD0 H20v
 - 10 10 H20v_eau H20v
 - 10 10 H20l_018 H20l
 - 10 10 H20l_HD0 H20l
 - 10 10 H20l_eau H20l

Refonte de traceur.def

- Idée de « blocs »

AQUA

14 14 H20v

10 10 H20l

10 10 H20i

LMDZ

10 10 Pb

10 10 Rn

INCA

[...]

- Étiquette / label
- Contiguïté → directement transposable dans le tr_seri
- tr_seri facilement manipulable par la suite tr_seri[n:m]
- Question des traceurs cités deux fois sous deux labels différents...

Refonte de traceur.def

- Rétrocompatibilité ancien / nouveau traceur.def à assurer
- Traceurs-fils à généraliser ?
- Implanter la valeur minimale (et max ?) pour chaque traceur (plutôt qu'en dur)
- Ajout d'un booléen pour l'activation de la paramétrisation physique ?
- Masse molaire associée ? Coefficient de réaction ?...
- Quel type de parsing pour la lecture ?
 - Descripteur = valeur ?
 - Vers de l'XML ?